

ALGORITHMIQUE POUR LA BIOINFORMATIQUE

ECTS	Cours (h)	T.D. (h)	T.P. (h)	Stage (semaines)
3	10	0	20	

Mention du master transmettant la fiche UE :	Master Bioinformatique
Composante de gestion de l'UE :	Faculté des Sciences : Département de Biologie
Responsable de l'UE :	GUÉGUEN Laurent
Statut du responsable :	MC

PROGRAMME DE L'UNITE D'ENSEIGNEMENT :

En raison de la taille et la complexité des données de séquences en bioinformatique, des algorithmes efficaces sont nécessaires pour pouvoir gérer et analyser de telles données. En nous appuyant sur les problèmes abordés dans les UE d'analyse de données du Master de Bioinformatique, nous nous intéresserons à la conception et l'implémentation de tels algorithmes.

En particulier, nous explorerons différents problèmes et méthodes d'analyse de séquence (reconnaissance de mots exacts ou approchés, arbres et tableaux de suffixes, transformée de Burrows-Wheeler), de prédiction d'objets et structures biologiques dans de telles séquences, et d'analyse de grands graphes complexes (interaction, homologie).

MUTUALISATION :

-
-
-